

Web of Science Data Citation Index (WoS DCI)

1. Research Data, 그 필요성과 현실

연구 데이터 (Research Data)란?

과학적 발견의 기반이자, 지식 생성 과정의 필수적인 자원

연구 데이터

과학 연구를 수행하는 과정에서
수집된 모든 형태의 정보

수집 과정

1차 데이터 수집: 실험, 관찰, 설문조사, 인터뷰, 시뮬레이션 등
2차 데이터 수집: 문헌 조사, 공공 데이터셋, 온라인 DB, Web search 등
공동 연구 및 협업을 통해 수집

데이터 형태

숫자 데이터 (통계값), 텍스트 (인터뷰 응답), 이미지 (사진 자료),
비디오 (의료 영상), 오디오 (공연 녹음), 코딩 된 데이터 등

구조화 정도

정형 데이터
비정형 데이터

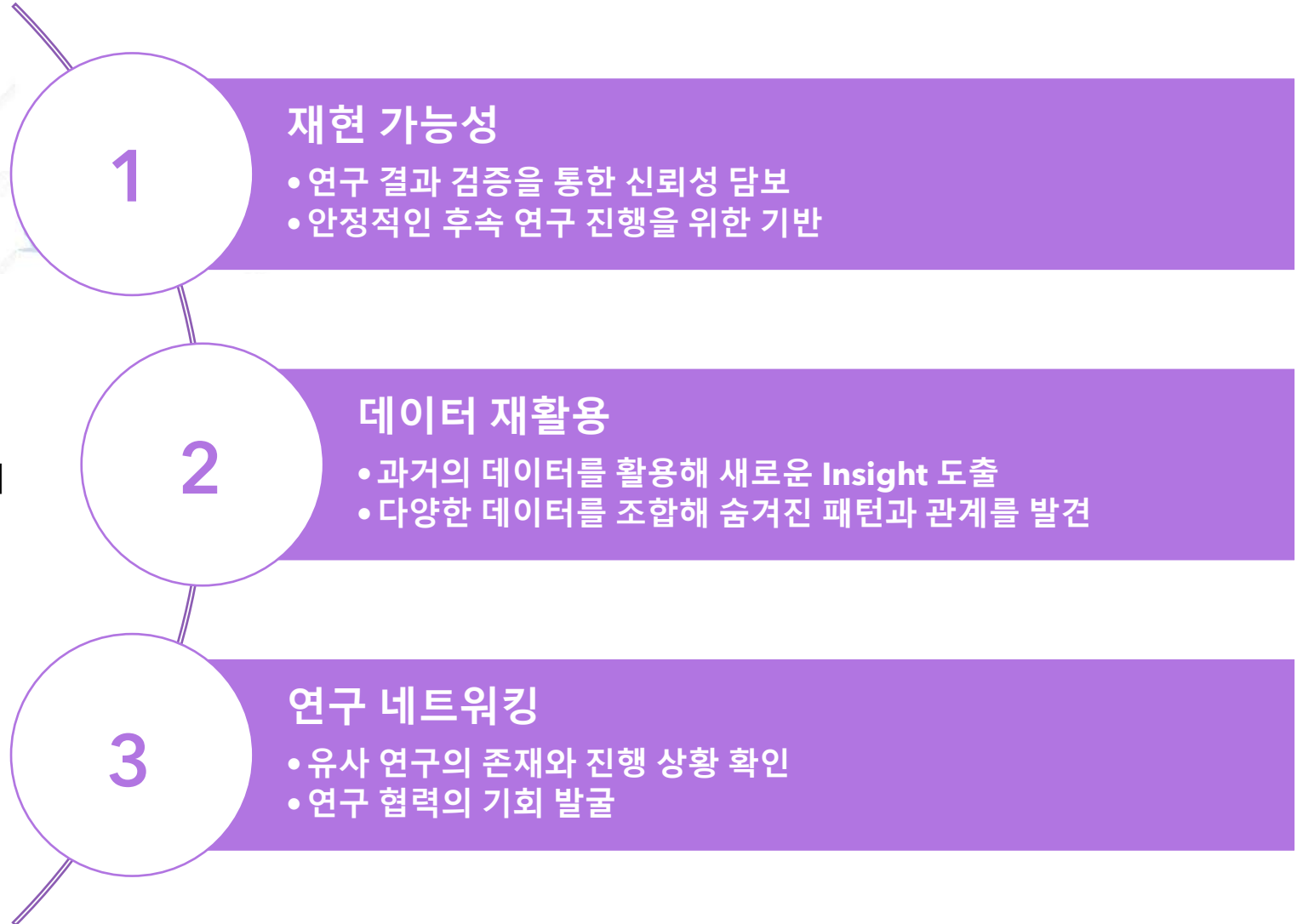
예시

생물학 연구: 유전자 서열 데이터
심리학 연구: 설문조사 결과
사회학 연구: 인구 통계 자료
환경학 연구: 기후 변화 데이터
경제학 연구: 시장/소비자 행동 데이터 등

연구 데이터 (Research Data)의 필요성

연구 데이터의 재사용은 연구 자원의 접근성과 효율성을 높이는 데 큰 기여

연구 데이터
과학 연구를 수행하는 과정에서
수집된 모든 형태의 정보



연구 데이터 (Research Data)의 성공적인 활용 예시

다양한 방식으로 존재하는 데이터를 면밀하게 분석하는 것만으로 혁신적인 연구가 가능함

한 예로, 과거 Stanford School of Medicine에서는 공공 레파지토리인 Gene Expression Omnibus (GEO) 등에 존재하는 연구 데이터를 이용해 당뇨병을 위한 약제 표적을 확인하는 성과를 거둠

The image shows a screenshot of a Nature journal article. The top part features the 'nature' logo and navigation links. Below is a large heatmap visualization of gene expression data. The main headline is 'Gene data to hit milestone'. The sub-headline reads: 'With close to one million gene-expression data sets now in publicly accessible repositories, researchers can identify disease trends without ever having to enter a laboratory.' The article text discusses the growth of public gene expression data repositories and how researchers are using this data to identify new drug targets for diabetes. A small line graph titled 'DATA DUMP' shows the number of gene-expression data sets deposited in GEO from 2000 to 2012, showing a sharp increase starting around 2005.

...describes how the publicly available Gene Expression Omnibus repository was used by Stanford investigators to **lead them to identify a new drug target for diabetes.**

"There is enough info in existing databases to predict disease in samples that algorithms have never seen before,"

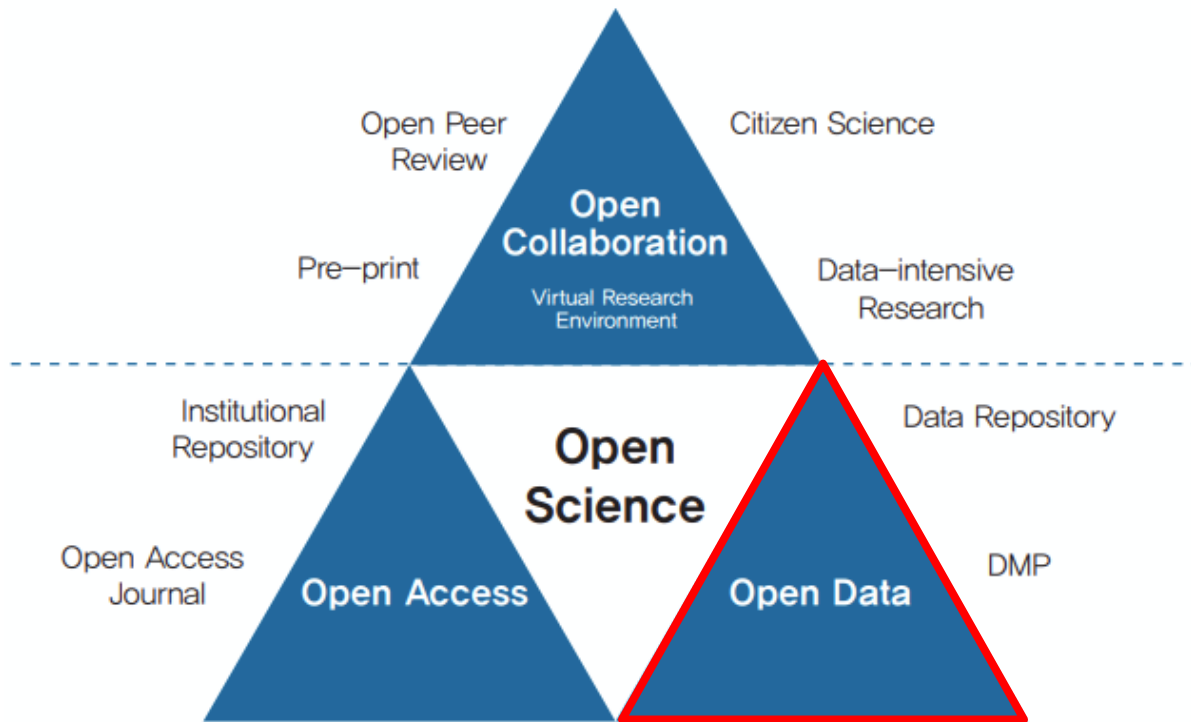
* Nature News, Nature Publishing Group, Jul 18, 2012.
Copyright © 2012, Rights Managed by Nature Publishing Group

<http://www.nature.com/news/gene-data-to-hit-milestone-1.11019>

연구 데이터 (Research Data) 공유 촉진을 위한 정책과 지침들

데이터 공유의 중요성과 당위성이 강조되는 경향과 함께,

연구의 데이터 개방을 요구하는 정책과 지침들도 지속적으로 강화되는 추세



Why is data important in the research lifecycle?

Accountability

Funding bodies such as the NIH, NSF, and ERC promote, and sometimes require, open data as a critical component necessary to translate research into applications and services with immediate social impact.

Transparency

Sharing data enables scholars to validate others' findings, ensuring that academic research can be trusted as the reliable basis for future basic and applied research, as well as public policy.

Credit

Nearly 70% of researchers value a data citation as much as an article citation. 10% value a data citation *more* than an article citation.⁵ It is important to track datasets alongside other research outputs.

연구 데이터 (Research Data) 공유 촉진을 위한 정책과 지침들

한국 또한 2023년 9월 과학기술정보통신부를 통해 국가연구데이터 관리 및 활용 촉진에 관한 법률 제정안을 입법 예고한 바 있음

국가R&D 연구데이터 관리·활용 법제화 추진을 위한 토론회

2023.4.24.(월) 14:00
국회 의원회관 제1소회의실

YouTube 실시간 생중계
(채널명: '한국과학기술정보연구원' 검색)
<http://www.youtube.com/c/KISTIV>

QR코드를 스캔하시면
생중계 페이지로
연결됩니다.

주제발표 ①
연구데이터 관리·활용 동향 및 제정법 필요성
- 최광남 (KISTI 국가과학기술데이터본부장)

주제발표 ②
연구데이터 법제 국내외 동향 및 쟁점
- 김권일 (STEP1 혁신법제도연구단 부연구위원)

종합토론
좌장
윤종민 (충북대학교 법학전문대학원 교수)

패널
최미정 (과학기술정보통신부 과학기술정보분석과장)
김민수 (KAIST 학술통화원장)
한종규 (한국지질자원연구원 지질자원데이터센터장)
김영식 (성균관대학교 문헌정보학과 교수)

주최 **국회의원 정필모**
주관 **KISTI 한국과학기술정보연구원**

국가연구데이터 관리 및 활용 촉진에 관한 법률 제정안 입법예고

공고번호 제2023-890호 | 법령종류 법률 | 입안유형 제정 | 예고기간 2023-09-27~2023-11-06

소관부처 과학기술정보통신부 | 담당부서 과학기술정보분석과 | 전화번호 044-202-6964 | 전자메일 jphong82@korea.kr

○과학기술정보통신부공고제2023-0890호

국가연구데이터 관리 및 활용 촉진에 관한 법률 제정안 입법예고를 하는데 있어, 그 이유와 주요내용을 국민에게 미리 알려 이에 대한 의견을 듣기위하여 "행정절차법" 제 41조에 따라 다음과 같이 공고합니다.

2023년 9월 27일
과학기술정보통신부장관

국가연구데이터 관리 및 활용 촉진에 관한 법률 제정안 입법예고

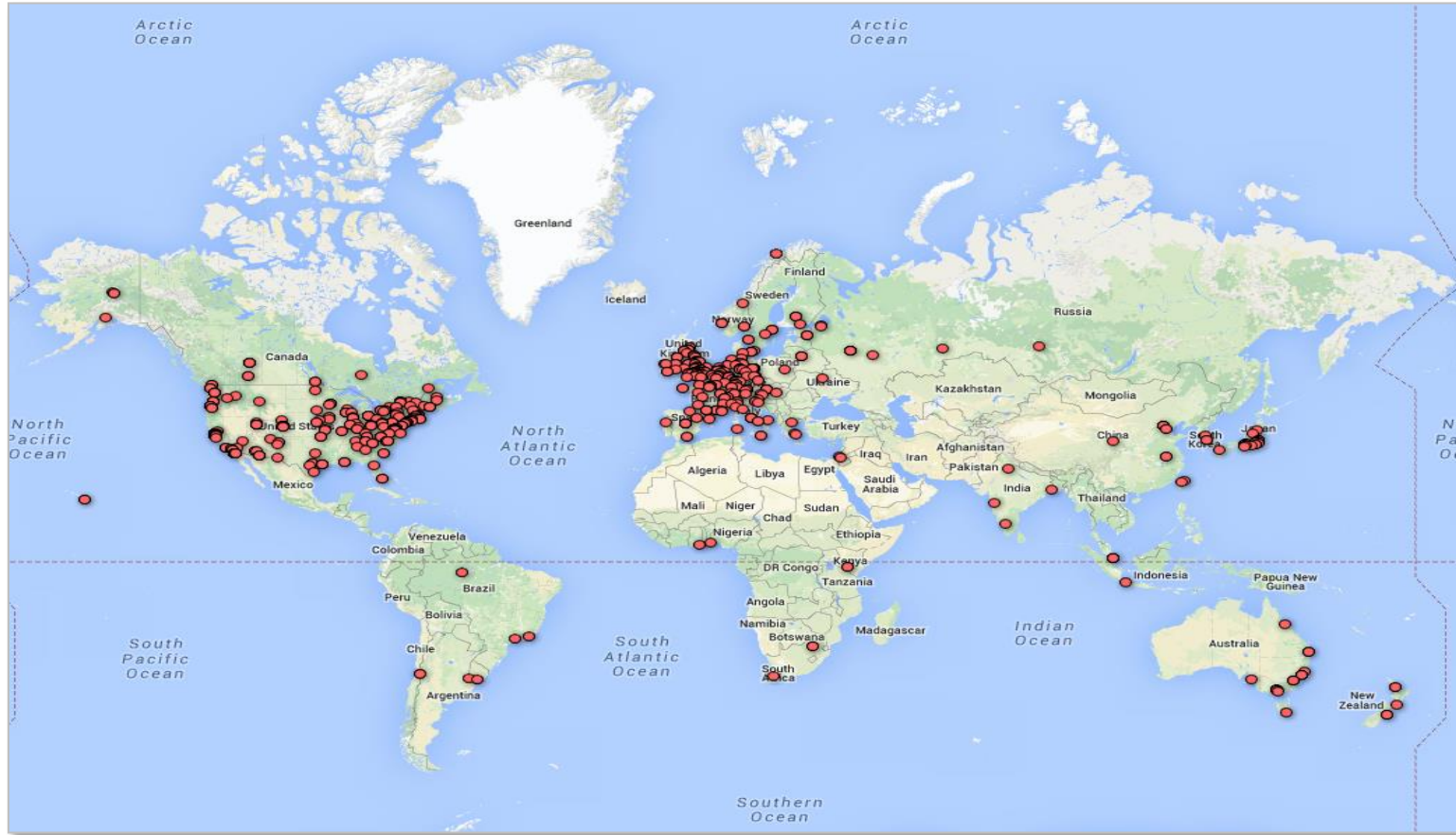
1. 제정이유

새로운 지식·가치 창출의 원천으로서 연구데이터의 가치가 높아짐에 따라 융합·공동연구 촉진을 위한 연구데이터 공유 체계의 필요성이 증대되고 있음. 미국을 비롯한 주요국에서는 일찍이 연구데이터의 체계적인 관리와 활용을 위한 정책을 추진해 왔으며, 과학기술 연구의 디지털화를 통해 연구데이터를 축적하고 인공지능 기술을 적용하여 새로운 성과를 창출하고 있음

최근 들어 우리나라도 공적자금이 투입된 연구데이터의 체계적인 관리와 활용을 위하여 데이터 관리계획의 도입, 국가연구데이터플랫폼의 구축 등 다양한 시도를 하고 있음. 하지만, 법·제도적 인프라의 미비 등으로 인하여 활성화에 한계를 보이고 있고, 현재 우리나라가 직면하고 있는 저출산·고령화, 기술유출 사건·사고의 증가 등을 고려할 때 연구데이터의 관리·활용체계 확립이 시급함

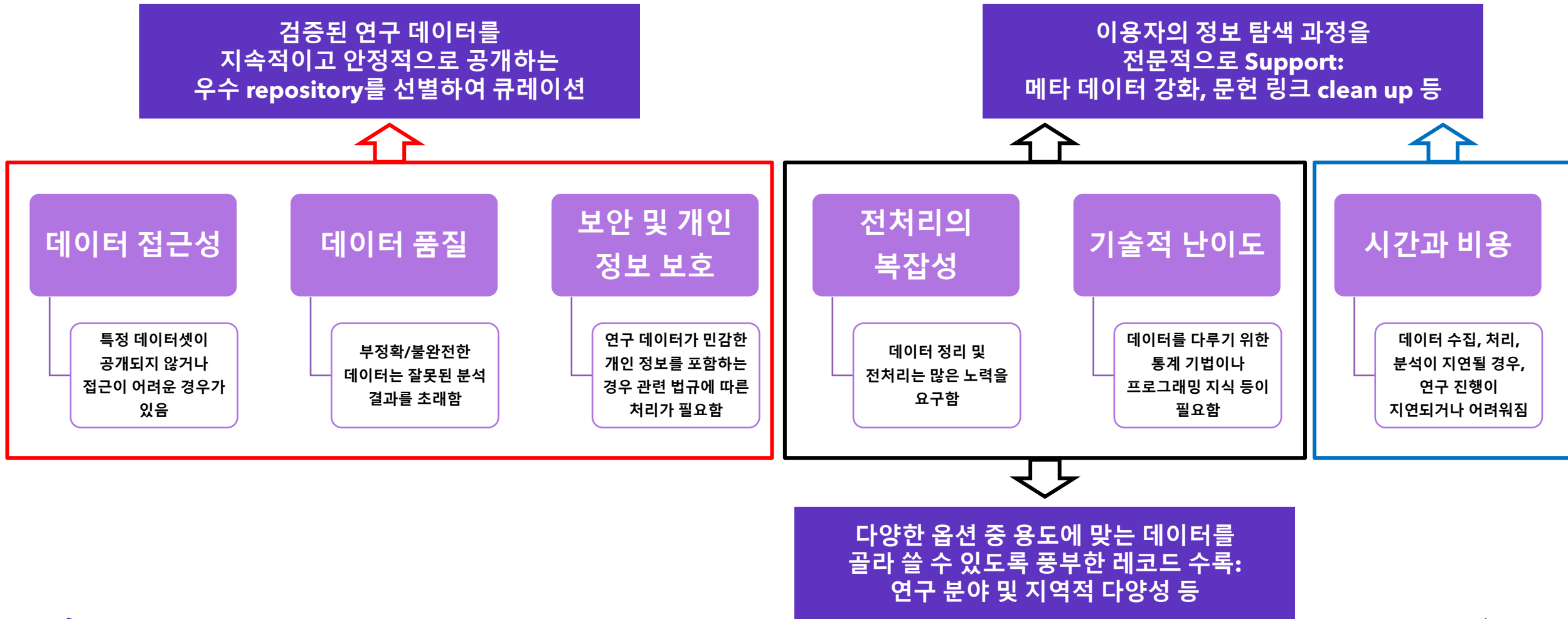
연구 데이터 (Research Data) 활용의 장애물

세계적으로 1700여종이 넘는 방대한 양의 레파지토리들이 연구 관련 정보를 제공하고 있으나, 레파지토리마다 서로 다른 플랫폼과 서로 다른 데이터 구조에 기반하고 있어 데이터의 통합적인 검색과 이용에 어려움이 있음



연구 데이터 (Research Data) 활용의 장애물

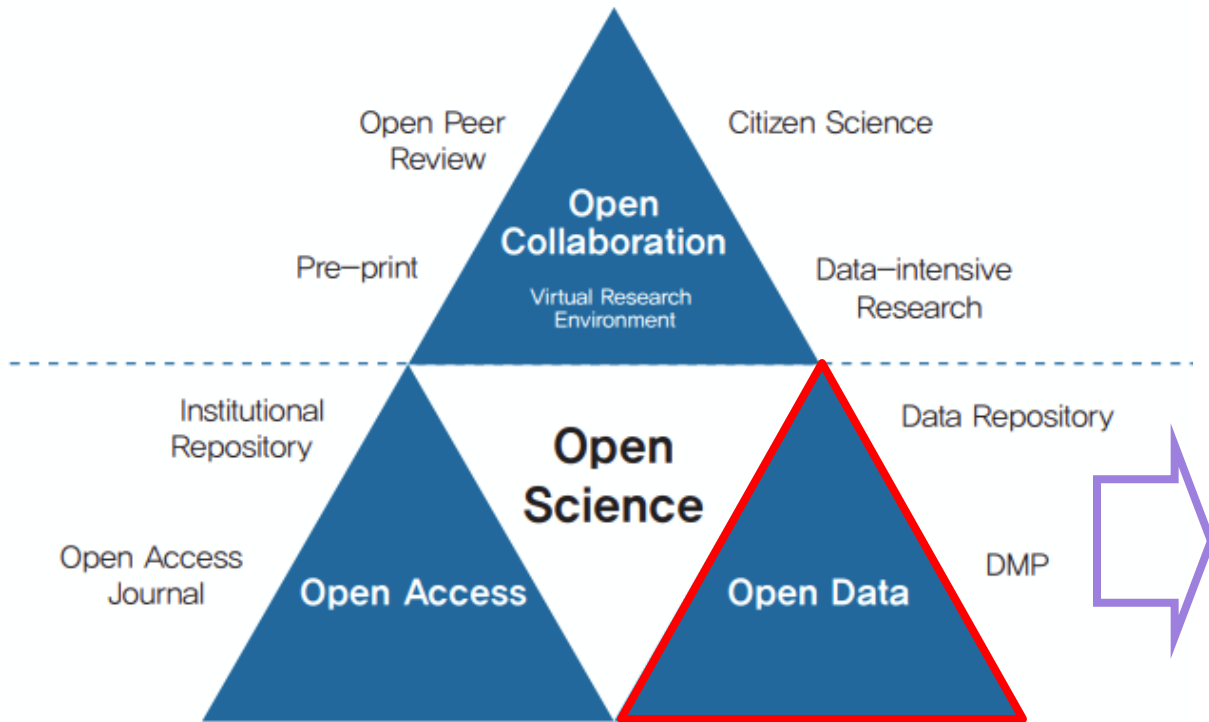
연구에 적합한 데이터를 확보하는 것부터 데이터 품질, 보안 및 개인 정보 보호 관련 법률 준수 등 다양한 장애물이 존재



2. WoS DCI (Data Citation Index)

Open Science와 WoS Data Citation Index (DCI)

WoS DCI는 Open Science 모델의 핵심 축인 Open Data를 지원



DISCOVERY AND WORKFLOW SOLUTIONS | WEB OF SCIENCE PLATFORM

Data Citation Index

Connecting data to the research it informs

453

repositories

14M+

data sets

1.6M+

data studies

405K+

software

WoS DCI: Repository Selection Process

클래리베이트 에디토리얼 팀은 1700개가 넘는 전 세계 레포지토리들을 정성/정량적 측면에서 검토

Publishing Standards

- 지속성과 안정성
- **Funding statements**
- 피어 리뷰
- 자료의 **Age**
- 메타데이터 및 문헌 링크

Editorial Content

- **Emerging topics**
- **Active fields**

International Diversity

- 저자, 에디터, 데이터 생산자, 데이터 등 다양한 요소를 고려

Data Citations

- 데이터를 인용한 참고문헌
- 데이터가 인용한 참고문헌

Repository Selection Process

<https://clarivate.com/products/scientific-and-academic-research/research-discovery-and-workflow-solutions/repository-selection-process/>

WoS DCI: WoS 전문 기술로 데이터 서비스

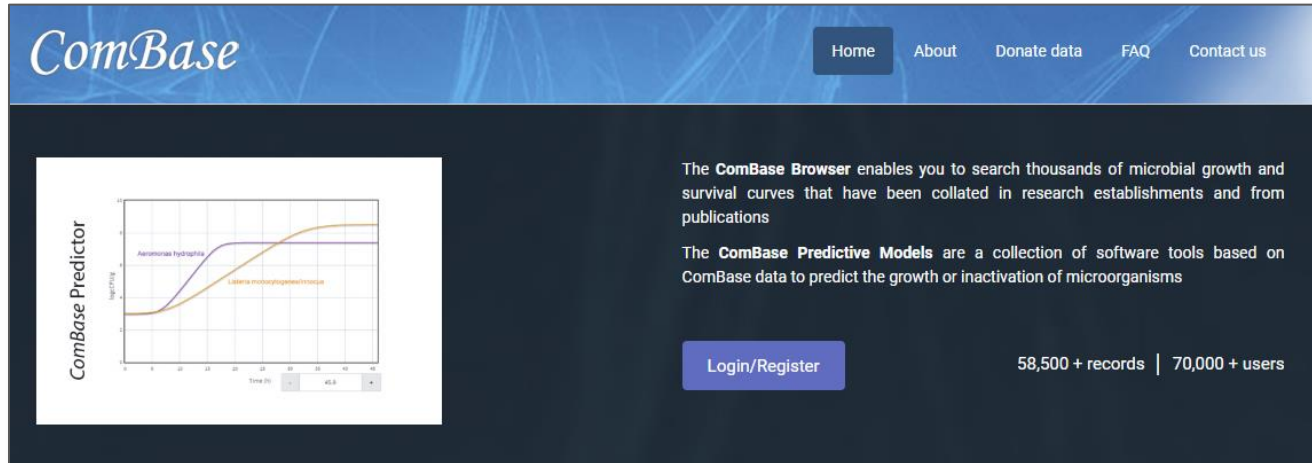
전 세계 주요 레포지토리의 데이터를 WoS의 전문 큐레이션과 함께 손쉽게 검색 및 분석

The screenshot displays the Web of Science interface with the following elements:

- Header:** Clarivate logo, language selector (한국어), and product menu (제품).
- Navigation:** Web of Science™, 검색 (Search), Research Assistant, and user profile (Sonia Kang).
- Search Settings:** 스마트 검색 BETA (Smart Search BETA) and 고급 검색 (Advanced Search) toggle.
- Search Location:** 검색 위치: Data Citation Index ^ 에디션: All v
- Field Inclusion:** 필드 포함 검 (Field Inclusion Check) dropdown menu with options: 모든 데이터베이스 (All Databases), Web of Science 핵심 컬렉션 (Web of Science Core Collection), Arabic Citation Index, Biological Abstracts, BIOSIS Citation Index, BIOSIS Previews, Current Contents Connect, Chinese Science Citation DatabaseSM, CABI: CAB Abstracts® & Global Health®, and Data Citation Index (highlighted).
- Search Criteria:** 출판 연도 (Publication Year), And v 저자 (Author), And v 데이터 원본 (Data Source) with example: 예: Dryad OR UK Data Archive.
- DCI Description:** Data Citation Index(1900-현재) (Data Citation Index (1900-Present)) description: 과학, 사회과학, 예술 및 인문학 분야의 다양한 글로벌 데이터 리포지토리에서 연구 데이터와 데이터 연구를 검색. (Search research data and data research in various global data repositories in science, social science, arts, and humanities.)
 - 저널, 도서 및 프로시딩즈의 논문과 관련된 연구 데이터 검색. (Search research data related to journal articles, books, and proceedings.)
 - 추적된 데이터에 쉽게 접근할 수 있도록 데이터 리포지토리에 직접 연결된 링크를 활용. (Utilize links directly connected to data repositories to easily access tracked data.)데이터 업데이트 날짜: 2024-05-31 (Data update date: 2024-05-31)

WoS DCI: Selected Data Repositories

에디토리얼 팀이 선별한 450여개 주요 글로벌 레포지토리의 데이터가 매 주 DCI에 업데이트 됨



Master Data Repository List

<https://clarivate.com/webofsciencegroup/master-data-repository-list/>

A Web Resource for Quantitative and Predictive Food Microbiology

It includes:

- A systematically formatted database of quantified microbial responses to the food environment with more than 60,000 records
- ComBase Predictor and Food Models – to predict the growth and inactivation of microorganisms in food

It can be used for:

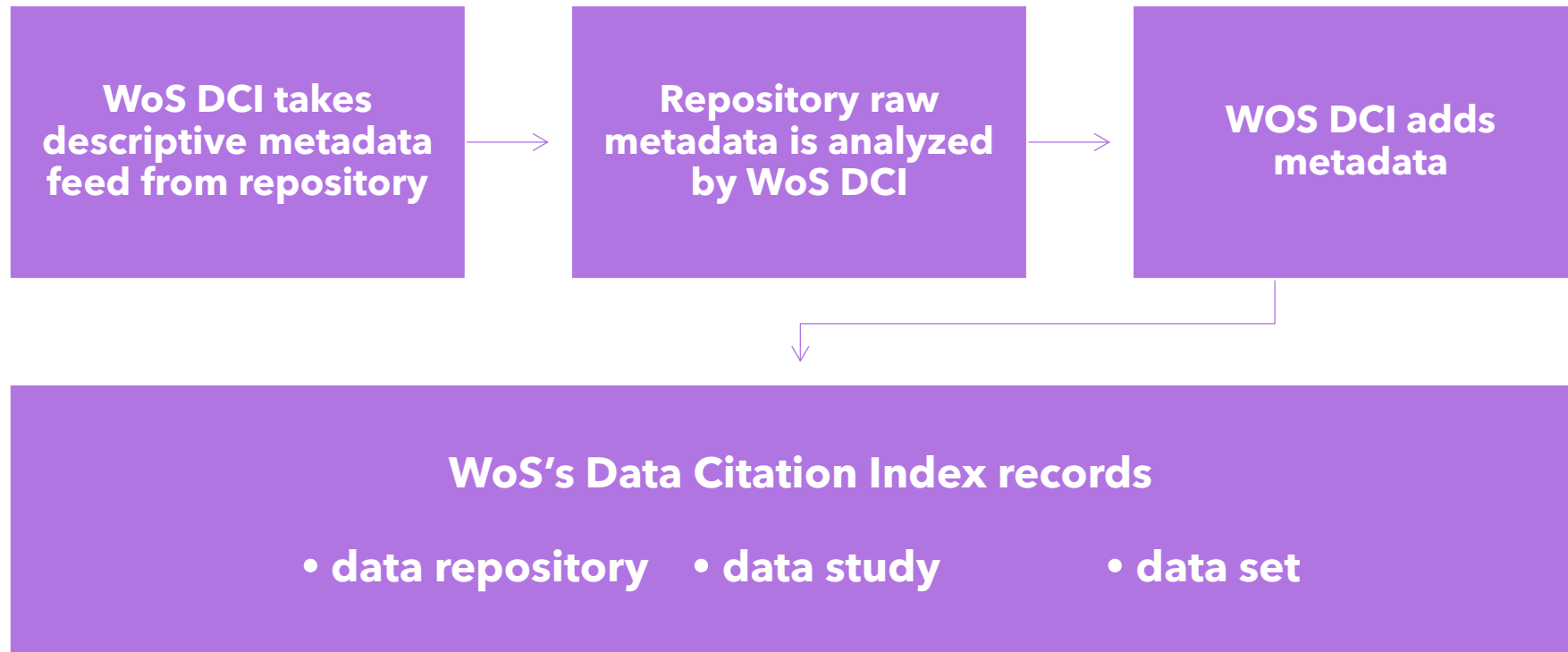
- Informing the design of food safety risk management plans
- Producing Food Safety Plans and HACCP plans
- Reducing food waste
- Assessing microbiological risk in foods

Supported by  United States Department of Agriculture
Agricultural Research Service



WoS DCI: Data Restructuring

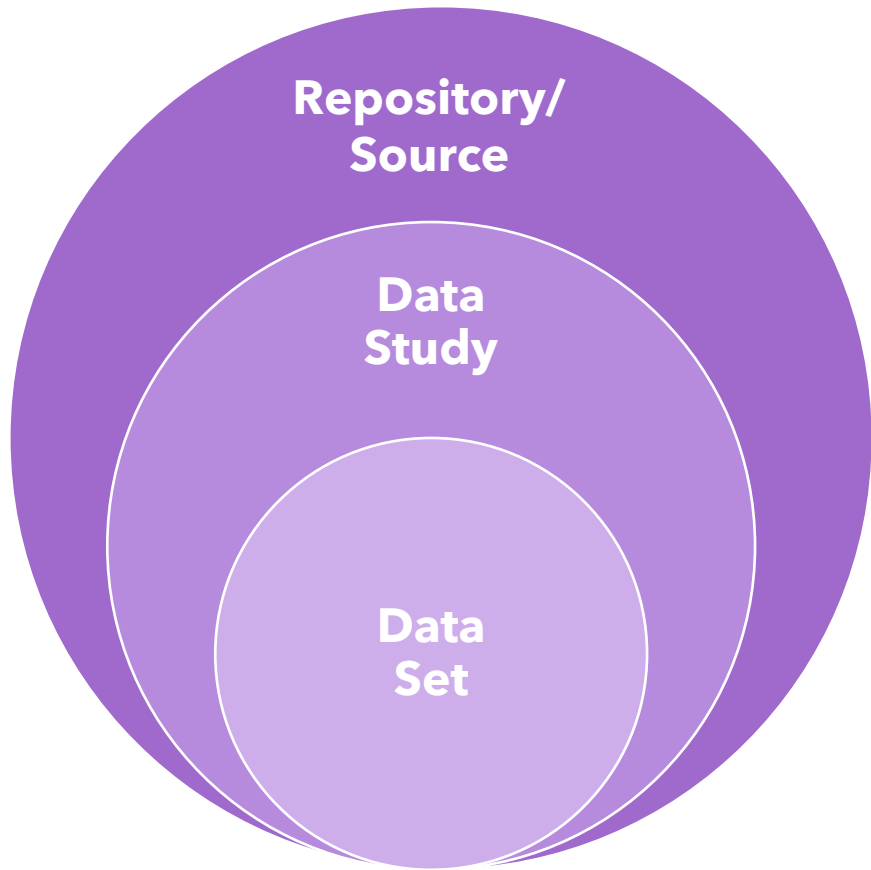
WoS DCI는 레포지토리의 메타데이터를 분석하고 WoS의 정보를 취합하여 데이터를 재구성



Data Citation Index records **link back to the source**, to the repositories, data studies, and data sets themselves.

WoS DCI: 3 Level Contents Types

WoS DCI는 데이터를 3단계 콘텐츠 유형으로 재구성



- **Repository/Source:** Comprises data studies, data sets, etc. Stores and provides access to the raw data.
- **Data Study:** Descriptions of studies or experiments with associated data which have been used in the data study.
- **Data Set:** A single or coherent set of data or a data file provided by the repository, as part of a collection, data study or experiment.
(Data set에는 **Software 정보가 포함됨:** A computer program or package in source code or compiled form, which can be installed on another machine and used to support & analyse research)

WoS DCI: WoS UI를 통해 검색 및 분석 진행

데이터 검색을 위한 전문 필드 활용

[검색 가능 필드 목록]

- 주제 (제목, 초록, 저자 키워드)
- 제목
- 저자
- 데이터 원본 (레포지토리명)
- 출판 연도
- 초록
- 식별번호
- 주소
- 저자 식별자 (ResearcherID, ORCID)
- 저자 키워드
- 내용 유형 (데이터 분류 유형: 예를 들어 Repository, Dataset, Software 등)
- DOI
- 에디터
- 연구비 지원 텍스트
- 그룹 저자
- 언어
- 주제 설명어 (Taxa Notes, Super Taxa Term을 포함한 텍사노믹 데이터, Web of Science Category 등)

Clarivate Web of Science™ 검색 Research Assistant Sonia Kang

문서 연구자

스마트 검색 BETA 고급 검색

검색 위치: Data Citation Index 에디션: All

필드 포함 검색 인용 문헌

주제 예: racial equality

And 저자 예: Cohen C

And 데이터 원본 예: Dryad OR UK Data Archive

+ 행 추가 + 날짜 범위 추가

x 초기화 검색

WoS DCI: WoS UI를 통해 검색 및 분석 진행

텍사노믹 데이터를 활용한 쿼리 작성

The screenshot shows the Clarivate Web of Science interface. The main search area includes filters for '스마트 검색 BETA' (Smart Search BETA) and '고급 검색' (Advanced Search). The search location is set to 'Data Citation Index' and the edition to 'All'. There are sections for '필드 포함 검색' (Field Inclusion Search) and '인용 문헌' (Cited References). The '출판 연도' (Publication Year) filter is set to '1800-2500'. The '저자' (Author) filter is set to 'Cohen C'. The '주제 설명어' (Subject Descriptor) filter is highlighted with a green box and set to 'Geospatial OR Biophysics OR Rodent'. At the bottom, there are buttons for '+ 행 추가' (Add Row) and '+ 날짜 범위 추가' (Add Date Range), and a search button labeled '검색'.

The taxonomy tree is titled '< 검색으로 돌아가기' (Return to Search). It shows a hierarchical structure of taxonomic categories with '추가' (Add) buttons next to each. The categories are: SuperTaxa, Organisms, Microorganisms, Fungi, Ascomycetes, Basidiomycetes, Fungi Imperfecti or Deuteromycetes, Myxophyta, Phycomycetes, Plantae, Protozoa, Animalia, and Taxa Notes. Under Taxa Notes, there are sub-categories: Organisms, Microorganisms, and Bacteria. A green box highlights the '추가' button next to the 'Taxa Notes' category.

The dialog box is titled '선택 (3)' (Select 3) and contains a list of three items: 'Humans', 'Bacteria', and 'Fungi'. Each item has a '제거' (Remove) button next to it.

- WoS DCI는 Zoological Record와 BIOSIS의 taxonomy를 적용
- Thesaurus에서 taxonomic descriptor를 선택하여 쿼리에 추가

WoS DCI: WoS UI를 통해 검색 및 분석 진행

필드 태그를 사용하면 보다 정교한 검색 쿼리 작성 가능

고급 검색 쿼리 작성기

정확한 검색 검색 도움말

여기에서 쿼리를 입력하거나 편집하십시오. 이전 검색을 결합할 수도 있습니다(예: #5 AND #2).

[+ 날짜 범위 추가](#) [x 초기화](#) [검색](#) ▾

[^ 필드 태그 보기](#)

부울 : AND, OR, NOT Examples

필드 태그 :

TS=주제	GP=[그룹 저자]	FT=연구비 지원 텍스트
TI=제목	SO=데이터 원본	UT=식별 번호
AB=초록	DE=[주제 설명어]	DT=내용 유형
AU=[저자]	PY=출판 연도	DO=DOI
AK=저자 키워드	TA=분류 데이터	SU=주제 분야
AI=저자 식별자	AD=주소	WC=Web of Science 범주 🔗

WoS DCI: WoS UI를 통해 검색 및 분석 진행

검색 결과 범위를 재설정할 수 있는 다양한 전문 필터 활용

The screenshot displays the Web of Science DCI interface with the search term "food (주제)". The main results area shows "Data Citation Index에서 135,916개의 결과:" and a search box containing "food (주제)".

Four filter panels are highlighted with green boxes:

- 결과 범위 재설정 (Results Range Reset):** Includes a search box for "주제 내에서 검색...", a "선택 목록으로 필터링" section, and a "출판 연도" (Publication Year) filter with a list of years from 2020 to 2024 and their respective counts.
- Web of Science 범주 (Web of Science Categories):** A list of categories such as "Multidisciplinary Sciences", "Genetics Heredity", "Social Sciences Interdisciplinary", "Biochemistry Molecular Biology", and "Humanities Multidisciplinary".
- 그룹 저자 (Group Author):** A list of author groups including "PORTABLE ANTIQUITIES OF THE NETH.", "UNIPROT CONSORTIUM", "INTERNATIONAL FOOD POLICY RESEARCH", "INTERGOVERNMENTAL PANEL ON CLIMATE CHANGE", and "SOCIAL SURVEYS GALLUP POLL LIMITED".
- 데이터 원본 (Data Source):** A list of data sources including "FIGSHARE", "ZENODO", "EUROPEAN NUCLEOTIDE ARCHIVE", "DRYAD", and "UCD DIGITAL LIBRARY".

Additional filters visible include "데이터 유형" (Data Type) with options like "Dataset", "Figure", "Folktale", "Fileset", and "Project"; "국가/지역" (Country/Region) with options like "USA", "CANADA", "UNITED KINGDOM", "GERMANY", and "NETHERLANDS"; and "주제 분야" (Subject Area) with options like "Science Technology Other Topics", "Genetics Heredity", "Social Sciences Other Topics", "Biochemistry Molecular Biology", and "Environmental Sciences Ecology".

WoS DCI: WoS UI를 통해 검색 및 분석 진행

원본 데이터 바로가기 링크, 데이터 제공자 및 관련 키워드 등의 메타데이터 확인 가능

데이터 보기

이 리소스 인용

내보내기 ▾

선택 목록에 추가 ▾

< 1 / 1 >

Comparison of ATG5-/- Bcl-2 tumors expressed versus those expressing EGFP

저자	White, Eileen ^[1]
원본	European Nucleotide Archive
원본 URL	http://www.ebi.ac.uk/ena/data/view/PRJNA116391
출판 날짜	2009
색인 날짜	2015-12-26
내용 유형	Data study
데이터 유형	nucleotide sequencing information
초록	Autophagy is a starvation response that facilitates cell survival and autophagy promote tumorigenesis. While the role of understarvat

저자 정보	연구기관명 및 주소: 1 CrCHUM-University of Montreal, Canada								
범주/분류	연구 분야: Biochemistry & Molecular Biology								
Web of Science 범주	Biochemistry & Molecular Biology								
분류 데이터	<table border="1" style="width: 100%; border-collapse: collapse;"><thead><tr><th>Super Taxa</th><th>분류 그룹명</th><th>생물 분류</th><th>생물 이름</th></tr></thead><tbody><tr><td>Animalia</td><td>Animals, Aschelminths</td><td>Nematoda</td><td>Caenorhabditis elegans</td></tr></tbody></table> <p style="text-align: center;">분류 테이블</p>	Super Taxa	분류 그룹명	생물 분류	생물 이름	Animalia	Animals, Aschelminths	Nematoda	Caenorhabditis elegans
Super Taxa	분류 그룹명	생물 분류	생물 이름						
Animalia	Animals, Aschelminths	Nematoda	Caenorhabditis elegans						
언어	English								
식별 번호	DRCI:DATA2024086029473916								
방법	Study factor: Experiment; Study factor: Genotype; Study factor: Glucose treatment; Study design: targeted metabolites; Study design: glycerol-3-phosphate phosphatase; Study design: sn-glycerol 3-phosphate; Study design: high-performance liquid chromatography-mass spectrometry; Study design: tandem mass spectrometry; Study design: aging; Technology type: mass spectrometry								
기타	Metabolite name: 2-phosphoglycolate; Metabolite name: acetoacetyl-CoA; Metabolite name: ADP; Metabolite name: Adenosine; Metabolite name: alanine; Metabolite name: acetyl-CoA; Metabolite name:								

WoS DCI: WoS UI를 통해 검색 및 분석 진행

DataCite의 인용 가이드라인을 기반으로 하는 인용 포맷 제공

데이터 보기 이리소스 인용 내보내기 선택 목록에 추가 < 1 / 1 >

Comparison of ATG5-/- Bcl-2 tumors expressing p62-GFP versus those expressing EGFP

저자: White, Eileen
원본: European Nucleotide Archive
원본 URL: http://www.ebi.ac.uk/ena/data/view/PRJNA116391
출판 날짜: 2009
색인 날짜: 2015-12-26
내용 유형: Data study
데이터 유형: nucleotide sequencing information
초록: Autophagy is a starvation response that facilitates cell survival under metabolic stress and yet defects in autophagy promote tumorigenesis. While the role of understarvation is relatively clearer, its mechanistic role in tumorigenesis is poorly understood. We show that defective autophagy promotes protein damage and accumulation of p62, a marker for protein damage accumulation that is cleared through autophagy pathway. The failure to eliminate p62 in

Clarivate가 권장하는 이 리소스의 인용:
White, Eileen (2009): Comparison of ATG5-/- Bcl-2 tumors expressing p62-GFP versus those expressing EGFP. European Nucleotide Archive.
http://www.ebi.ac.uk/ena/data/view/PRJNA116391

복사 닫기

인용 네트워크
위치: Web of Science 핵심 컬렉션
1 인용
인용 알림 만들기
1 인용 횟수: 모든 데이터베이스 + 인용 횟수 더 보기
0 인용 문헌
가장 최근 인용자:
Mathew, R; Karp, CM; White, E; et al.
Autophagy Suppresses Tumorigenesis through Elimination of p62
CELL

WoS DCI: WoS UI를 통해 검색 및 분석 진행

데이터가 WoS 논문에 인용된 경우, 해당 논문을 바로 확인할 수 있음

Glycerol 3-phosphate phosphatase/PGPH-2 counters metabolic stress and promotes healthy aging via a glycogen sensing-AMPK-HLH-30-autophagy axis in *C. elegans*

저자: Prentki, Marc^[1]; Possik, Elite^[1]; Klein, LL; Ying; Zhang, Dongwei; Sun, Howard; Al-Ma

원본: MetaboLights

원본 URL: <https://www.ebi.ac.uk/metabolights/MTB...>

출판 날짜: 2024

색인 날짜: 2024-05-11

내용 유형: Data set

초록: Metabolic stress caused by excess nutrient discovered enzyme glycerol-3-phosphate evolutionarily conserved glycerol shunt the glycerol, counters metabolic stress and pro whereby G3PP activation extends healthsp unknown. Here, we show that the overexp

인용 네트워크

위치: Web of Science 핵심 컬렉션

1 인용

인용 알림 만들기

Clarivate Web of Science™ 검색 Research Assistant Sonia Kang

필드 포함 검색 > food (주제) 에 대한 결과 > Refine results for food (주... > Glycerol 3-phosphate phos... > 인용 결과: 다음 항목의 인용: Glycerol 3-phosphate phosphatase/PGPH-2 c...

1개의 결과가 인용됨:

다음 항목의 인용: Glycerol 3-phosphate phosphatase/PGPH-2 counters metabolic stress and promotes healthy aging via a glycogen sensing-AMPK-HLH-30-autophagy axis in *C. elegans*

결과 범위 재설정

0/1 선택 목록에 추가 내보내기

정렬 기준: 날짜: 최신 날짜순 < 1 / 1 >

빠른 필터

- 오픈 액세스 1
- 관련 데이터 1
- 강화된 인용 문헌 1

1 Glycerol 3-phosphate phosphatase/PGPH-2 counters metabolic stress and promotes healthy aging via a glycogen sensing-AMPK-HLH-30-autophagy axis in *C. elegans*

Possik, E; Klein, LL; (...); Prentki, M

Aug 25 2023 | NATURE COMMUNICATIONS 14 (1)

96 참고 문헌

WoS DCI: Access from other WoS Indexes

반대로, WoS 검색 중에는 "관련 데이터" 필터를 통해 WoS DCI record로 이동 가능

The screenshot shows the Web of Science interface with a search for "metabolic stress". The search results are displayed in a list format. A green box highlights the "관련 데이터" (Related Data) filter in the sidebar and the "관련 데이터 보기" (View Related Data) link in the search results. The search results list includes:

- 1 Autophagy Suppresses Tumorigenesis through Elimination of p62
Mathew, R; Karp, CM; (...); White, E
Jun 12 2009 | CELL 137 (6) , pp.1062-1075
1,401 인용
42 참고 문헌
- 2 Autophagy maintains the metabolism and function of young and old stem cells
Ho, TT; Warr, MR; (...); Passequé, E
Mar 9 2017 | NATURE 543 (7644) , pp.205-+
576 인용
41 참고 문헌

WoS DCI: Access from other WoS Indexes

WoS 이용 전반에서 DCI에 수록된 연구 데이터를 확인 및 액세스 가능

Autophagy Suppresses Tumorigenesis through Elimination of p62

관련 데이터

저자 Mathew, R (Mathew, Robin) [1], [4]; Karp, CM (Karp, Cristina M.) [3], [4]; Beaudoin, B (Beaudoin, Brian) [2], [3]; Vuong, (Vuong, Nhan) [3]; Chen, GH (Chen, Guanghua) [2]; Chen, HY (Chen, Hsin-Yi) [3]; Bray, K (Bray, Kevin) [3]; Reddy, A (Reddy Anupama) [5]; Bhanot, G (Bhanot, Gyan) [3], [4], [6]; Gelinas, C (Gelinas, Celine) [1], [2]; ...[자세히 보기](#)

원본 Web of Science ResearcherID 및 ORCID 보기 (Clarivate 제공)

CELL

권: 137 호: 6 페이지: 1062-1075

DOI: 10.1016/j.cell.2009.03.048

관련 데이터 1 (Data Citation Index에서)

리포지토리	유형	리포지토리에 연결
Comparison of ATG5-/- Bcl-2 tumors expressing p62-GFP versus those expressing EGFP	Data study	외부 원본 링크

[관련 데이터 테이블](#)

[관련 데이터 모두 보기](#)

범주/분류 연구 분야: Biochemistry & Molecular Biology; Cell Biology
인용 주제: 1 Clinical & Life Sciences > 1.25 Molecular & Cell Biology - Car
지속 가능한 개발 목표: 03 Good Health and Well-being

Comparison of ATG5-/- Bcl-2 tumors expressing p62-GFP versus those expressing EGFP

저자 White, Eileen^[1]

원본 European Nucleotide Archive

원본 URL <http://www.ebi.ac.uk/ena/data/view/PRJNA116391>

출판 날짜 2009

색인 날짜 2015-12-26

내용 유형 Data study

데이터 유형 nucleotide sequencing information

초록 Autophagy is a starvation response that facilitates cell survival under metabolic stress and yet defects in autophagy promote tumorigenesis. While the role of understarvation is relatively clearer, its mechanistic role in tumorigenesis is poorly understood. We show that defective autophagy promotes protein damage and accumulation of p62, a marker for protein damage accumulation that is cleared through autophagy pathway. The failure to eliminate p62 in autophagy-defective cells, leads to deregulation of cell signalling and gene expression and ultimately promotes tumorigenesis. Thus defective-autophagy is a mechanism for p62 accumulation commonly observed in human tumors. Keywords: Autophagy, p62, Signal transduction, NF-kB, tumorigenesis. Overall design: Gene expression profile were performed on total mRNA isolated from tumors from atg5-/- Bcl-2 immortalized mouse epithelial (iBMK) cells expressing p62-EGFP (2 tumors) and EGFP (2 tumors) proteins using GeneChip Mouse Genome 430A 2.0 array (Affymetrix, Santa Clara, CA) repressing 22,629 full-length genes and ESTs. The two parallel tumors

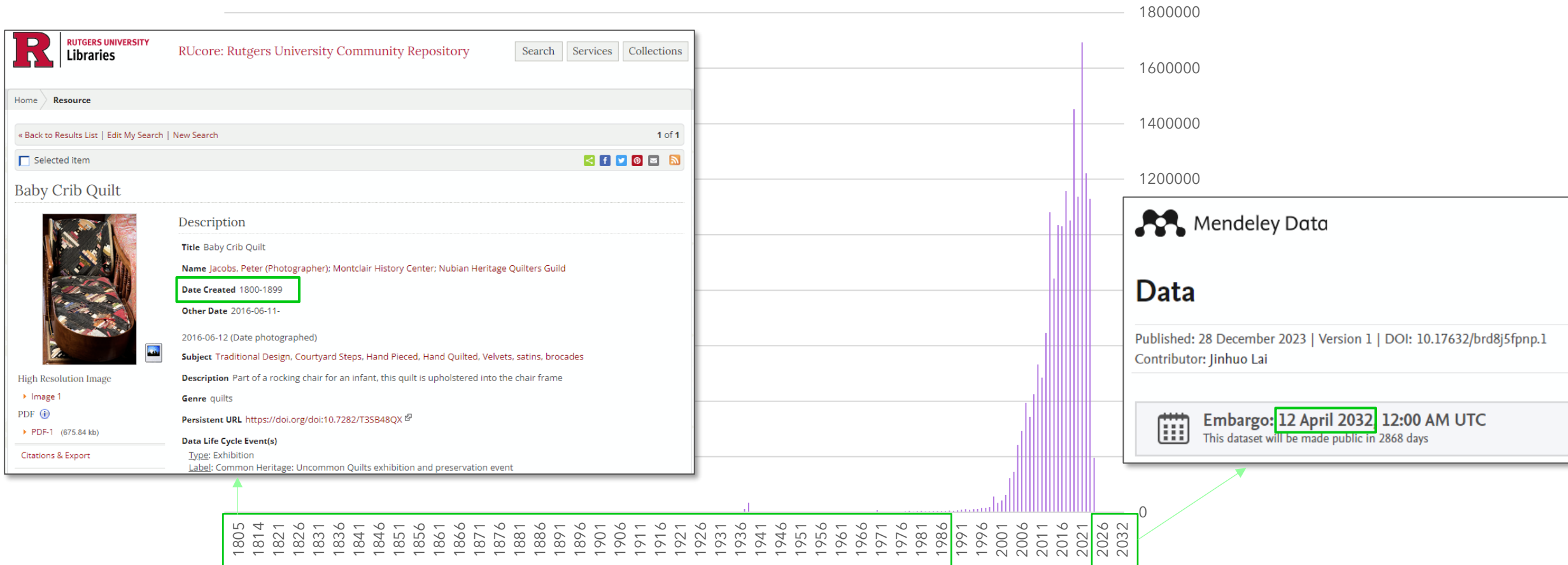


3. WoS DCI (Data Citation Index)의 데이터 구성

WoS DCI: Records by Year

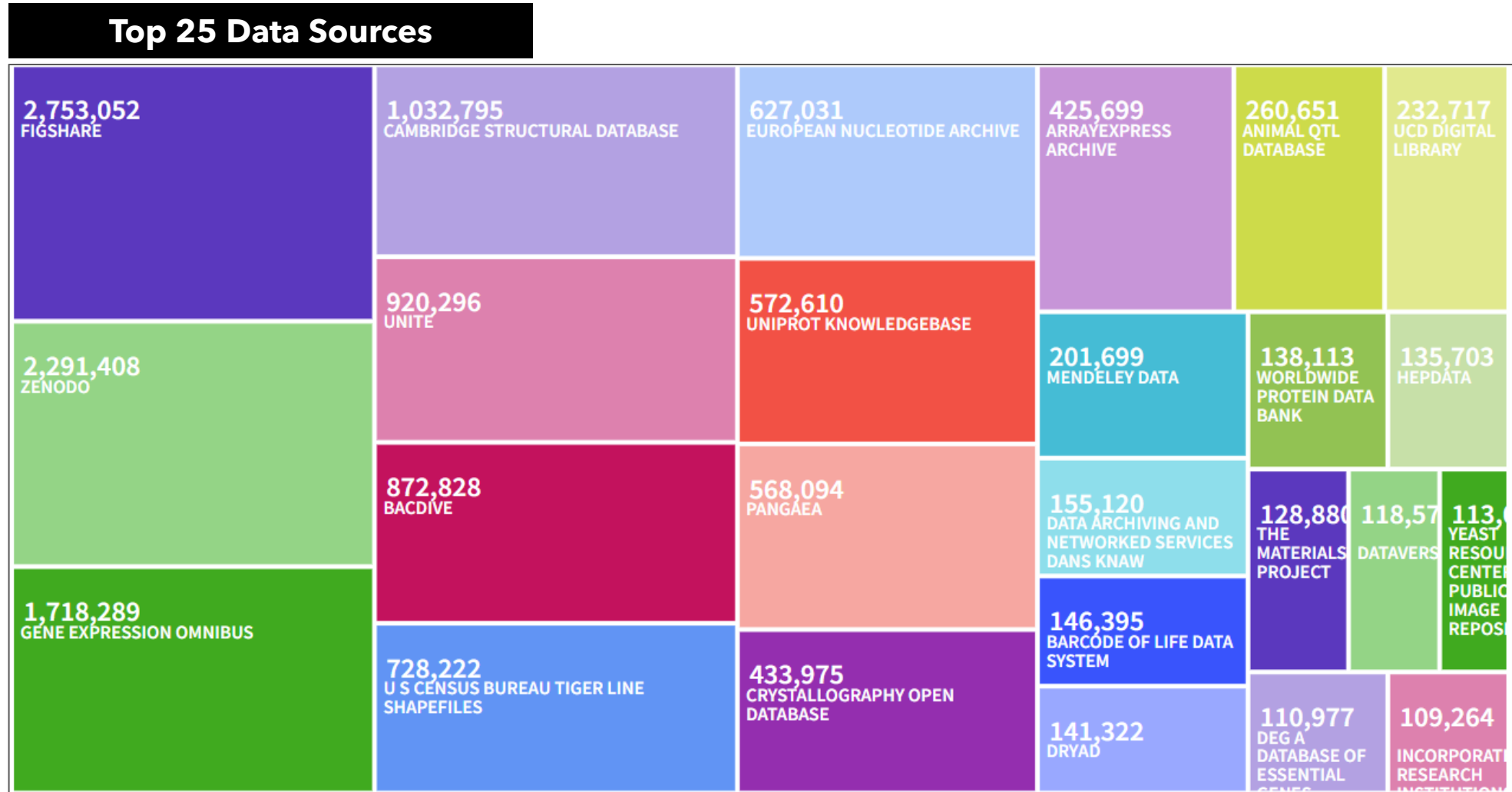
WoS DCI는 1900년 이후의 데이터를 주로 다루지만, 선정된 레포지토리가 보유한 데이터는 연도 하한선 없이 수록하고 있음

WoS DCI records by Year



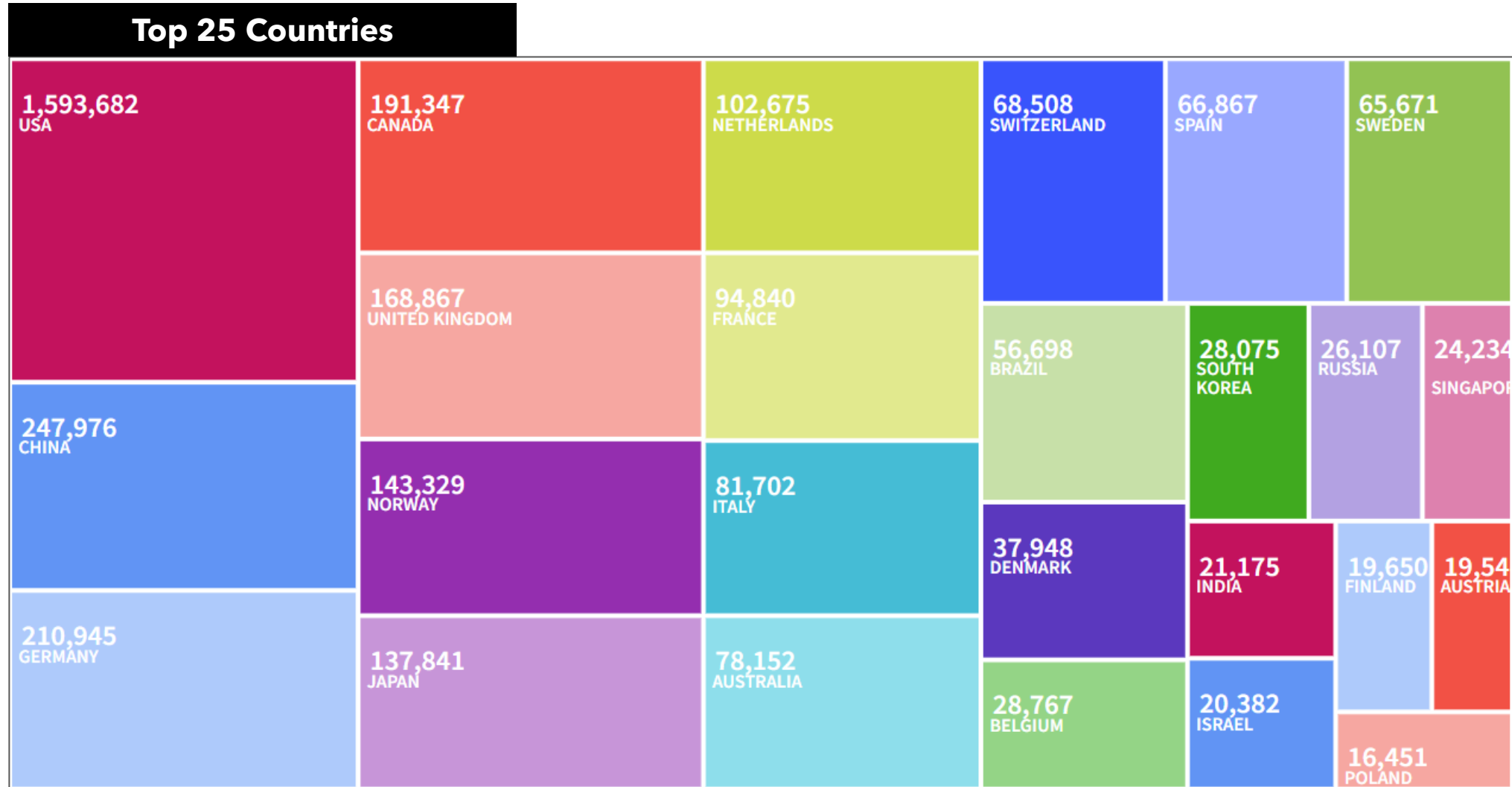
WoS DCI: Records by Data Source

WoS DCI는 450개 이상의 레포지토리 정보를 인덱스하고 있으며,
이 중 95% 이상이 콘텐츠에 대한 무료 액세스를 제공함



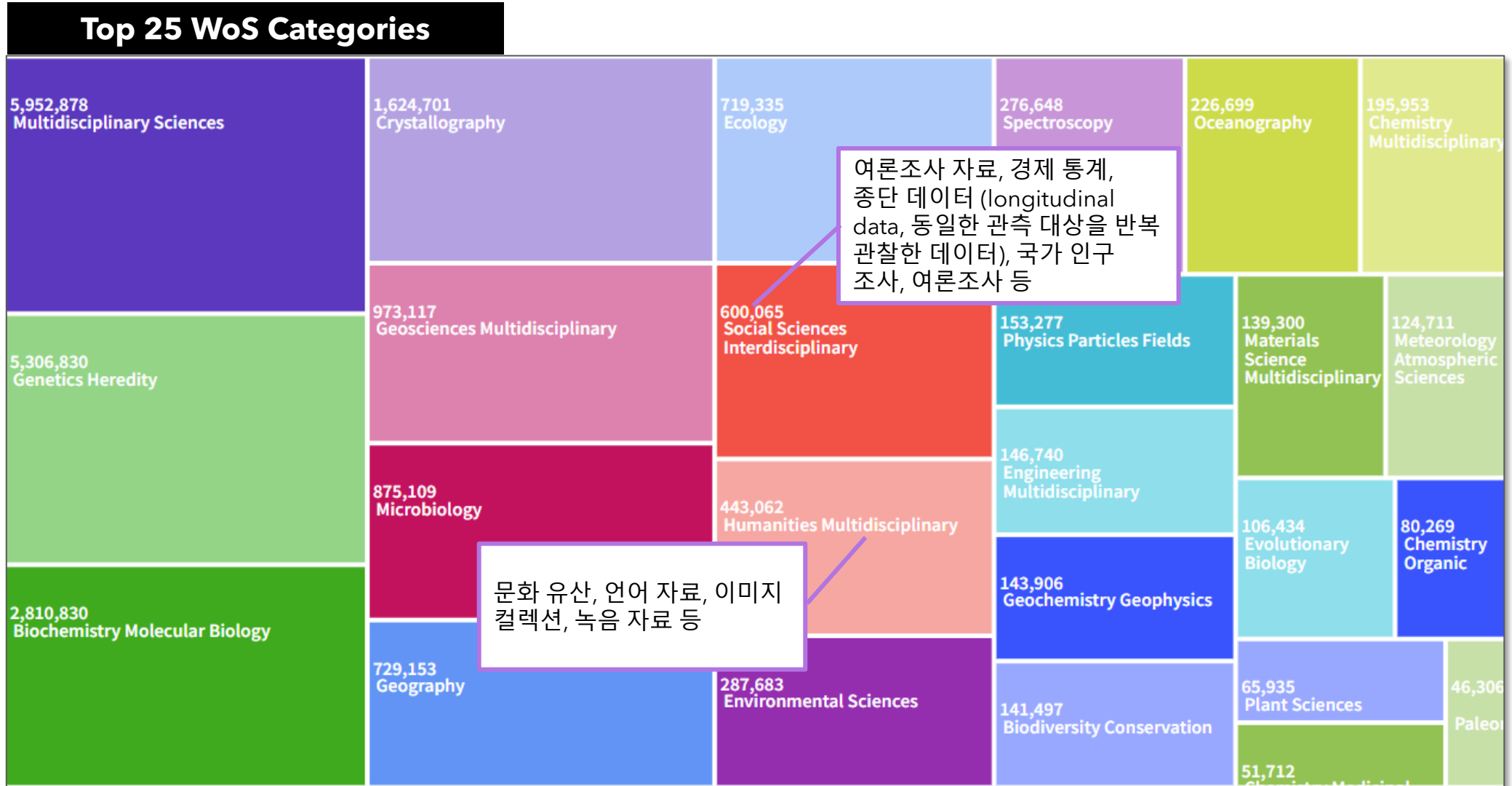
WoS DCI: Records by Country

WoS DCI는 270여국의 데이터를 광범위하게 수록함



WoS DCI: Records by WoS Category

Genetics Heredity를 포함한 160여개 WoS Category 관련 데이터를 수록





감사합니다